

**FORMATO EUROPEO
PER IL CURRICULUM
VITAE**



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome **ALFIERI, ROBERTA**
Indirizzo **VIA TRIESTE 7, SEGRATE (MI), ITALIA**
Telefono **+39 3398504913**
Fax
E-mail **roberta.alfieri@igm.cnr.it**

Nazionalità Italiana
Data di nascita 4 APRILE 1981

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Date (da – a) **DICEMBRE 2017-OGGI**
• Nome e indirizzo del datore di lavoro Istituto di Genetica Molecolare, Consiglio Nazionale delle Ricerche
Via Abbiategrosso 207, Pavia
Istituto di ricerca nazionale
Tecnologo III livello, Bioinformatico
Analisi di dati provenienti da tecnologie di sequenziamento di nuova generazione tra cui RNA-seq; ATAC-seq, ChIP-seq, HI-C.
Sviluppo di piattaforme di cloud computing per analisi bioinformatiche
Sviluppo di strumenti bioinformatici per lo studio di lncRNAs in patologie umane.
Caratterizzazione funzionale dei geni in diversi contesti biologici.
- Date (da – a) **APRILE 2015 – DICEMBRE 2017**
• Nome e indirizzo del datore di lavoro Istituto Nazionale di Genetica Molecolare (INGM)
Via Francesco Sforza 35, Milan
Fondazione di ricerca nazionale
Dipendente, Bioinformatico
Analisi di dati provenienti da tecnologie di sequenziamento di nuova generazione tra cui RNA-seq ribo-seq.
Analisi di dati proteomici e metabolomici.
Integrazione di dati multi-omici.
Analisi di dati di espressione genica provenienti da tecnologie microarray.
Caratterizzazione funzionale di geni, mRNAs, miRNAs in diversi contesti biologici.
Analisi statistica di dati biologici.

- Date (da – a) **APRILE 2010 – APRILE 2015**
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Istituto di Tecnologie Biomediche ITB – CNR
Via Fratelli Cervi 93, Segrate (MI)
- Tipo di azienda o settore Fondazione di ricerca nazionale
- Tipo di impiego Ricercatore postdoc
- Principali mansioni e responsabilità Studio computazionale della cinetica virale in pazienti HCV+ in risposta a terapie farmacologiche per individuare caratteristiche virali essenziali per la resistenza alle terapie.
Analisi bioinformatica di dati provenienti da esperimenti di espressione genica e RNA-seq.
Analisi statistica di dati clinico-biologici in risposta a diverse terapie antitumorali provenienti da pazienti affetti da tumore al colon
Referente scientifico nell'ambito del progetto ministeriale FIRB-MIUR "HIRMA" (Hepatocarcinoma Innovative Research Markers); consulente per lo sviluppo del portale del progetto e del database per la raccolta dei dati clinici dei pazienti arruolati nello studio; supporto tecnico per gli utenti del portale; consulenza per l'inserimento dei dati clinici; validazione e sperimentazione delle funzionalità del portale.
Sviluppo e test di sistemi software per la gestione di dati clinici.
Sviluppo e analisi di modelli matematici per simulare processi biologici coinvolti nella progressione tumorale.
Relatore a seminari e lezioni tematiche per corsi di laurea specialistica e dottorati di ricerca.
- Date (da – a) **GIUGNO 2006 – APRILE 2010**
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Istituto di Tecnologie Biomediche ITB – CNR
Via Fratelli Cervi 93, Segrate (MI)
- Tipo di azienda o settore Fondazione di ricerca nazionale
- Tipo di impiego Ricercatore
- Principali mansioni e responsabilità Integrazione di dati biologici.
Sviluppo e implementazione di banche dati biologiche.
Studio e sviluppo di modelli matematici nell'ambito della biologia sistemica.

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

- Date (da – a) 2007-2010
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione Università di Camerino, International School of Advanced Studies.
- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
- Qualifica conseguita Dottorato di ricerca in "Scienze dell'informazione e sistemi complessi"
- Livello nella classificazione nazionale (se pertinente)

- Date (da – a) 2004-2006
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione Università di Milano-Bicocca, Milano.
- Qualifica conseguita Laurea specialistica in Bioinformatica
- Livello nella classificazione nazionale 110/110 e lode
(se pertinente)

- Date (da – a) 2000-2004
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione Università di Milano-Bicocca, Milano.
- Qualifica conseguita Laurea in Biotecnologie mediche
- Livello nella classificazione nazionale 99/110
(se pertinente)

CAPACITÀ E COMPETENZE

PERSONALI

Acquisite nel corso della vita e della carriera ma non necessariamente riconosciute da certificati e diplomi ufficiali.

MADRELINGUA

ALTRE LINGUA

- Capacità di lettura
- Capacità di scrittura
- Capacità di espressione orale

CAPACITÀ E COMPETENZE

RELAZIONALI

Vivere e lavorare con altre persone, in ambiente multiculturale, occupando posti in cui la comunicazione è importante e in situazioni in cui è essenziale lavorare in squadra (ad es. cultura e sport), ecc.

CAPACITÀ E COMPETENZE

ORGANIZZATIVE

Ad es. coordinamento e amministrazione di persone, progetti, bilanci; sul posto di lavoro, in attività di volontariato (ad es. cultura e sport), a casa, ecc.

CAPACITÀ E COMPETENZE

TECNICHE

Con computer, attrezzature specifiche, macchinari, ecc.

PATENTE O PATENTI

ITALIANO

INGLESE

ECCELLENTE

ECCELLENTE

BUONO

Forte attitudine al lavoro di gruppo e buone capacità comunicative.

Ottime capacità di pianificazione dell'attività lavorativa.

Ottime capacità di relazionarsi con ambienti lavorativi diversi, con persone di diverse nazionalità e competenze.

Grande passione per la scienza e forte motivazione per la ricerca scientifica.

Buone capacità di scrittura di progetti di ricerca, pubblicazioni scientifiche e presentazioni dei risultati della ricerca attraverso diapositive e poster.

Ottima conoscenza degli ambienti Microsoft Windows, Linux e Mac, ottima capacità di utilizzo del pacchetto Microsoft Office.

Buone abilità di sviluppo di banche dati e content management systems.

Buona conoscenza dei linguaggi di programmazione (Perl, HTML, PHP, MySQL)

Buone capacità di sviluppo e gestione di siti web e portali.

Buone capacità di utilizzo dei sistemi di calcolo ad alte prestazioni e distribuiti.

Buone abilità di programmazione in ambiente R, Matlab e Mathematica.

Conoscenza approfondita di linguaggi programmi e banche dati specifici della bioinformatica e della systems biology (tra cui Copasi, Cytoscape, CellDesigner, Xppaut).

Ottime capacità di consultazione e revisione critica della letteratura scientifica.

Ottima conoscenza delle principali metodologie di biologia molecolare e cellulare.

Patente di tipo B